



CENTRO DE INVESTIGACIÓN  
DEL CÁNCER

Universidad de Salamanca-CSIC



Campus Miguel de Unamuno  
37007 Salamanca, España  
Tel. +34 923 29 47 20  
Fax +34 923 29 47 43  
[www.cicancer.org](http://www.cicancer.org)

## Entrega de muestras para CytoScan y/o SNP 6.0 arrays (Affymetrix)

### 1. Calidad ADN:

Los métodos recomendados por Affymetrix para la **extracción** del ADN son:

- QIAGEN; QIAmp DNA
- QIAGEN; Genra Puregen
- 5Prime: Perfect Pure DNA kit

También es posible digestión SDS/ProK, extracción fenol-cloroformo, ultrapurificación y concentración con Microcon o Centricon (Millipore).

Es importante que la muestra no tenga restos de fenoles, ya que pueden dar problemas tanto en el procesamiento como en el análisis final de resultados, por ello se recomienda **preferentemente los kits** arriba indicados.

No se usarán ADNs que hayan sido extraídos y/o purificados con métodos que incluyan hervido o agentes desnaturalizantes (ver pdf adjunto "*Genomic DNA General Requirements*").

Hay que proporcionar mínimo **350ng** de ADN genómico en agua.

Si es posible, es recomendable proporcionar los datos de concentración obtenidos de la medida en **Qubit**.

Respecto a la pureza del ADN el ratio  $OD_{260}/OD_{280}$  debe estar entre 1.8 y 2.0 y el ratio  $OD_{260}/OD_{230}$  debe ser mayor de 1.5 (usando columnas en la extracción este ratio baja incluso a 0.25).

El ADN no debe estar degradado, respecto al tamaño, aproximadamente el 90% del ADN debe ser **mayor de 10Kb (gel de agarosa al 1%** usando un Standard de tamaño apropiado). El tamaño del ADN puede ser chequeado en nuestra unidad.

2. **Análisis:** entregamos los datos crudos, que luego se pueden analizar con ChAS. Este software está en la página de Affymetrix, y se puede descargar, es gratuito, es el Chromosome Analysis Suite (ChAS) Software, la v4.0, para el análisis de los CytoScan arrays. Más información en <https://www.thermofisher.com/es/es/home/life-science/microarray-analysis/microarray-analysis-instruments-software-services/microarray-analysis-software/chromosome-analysis-suite.html>