

## UNIDAD DE PROTEÓMICA

### TARIFAS\*

| Código  | SERVICIOS   | CIC-Usal         | Resto Públ.      | Org. Priv.       |
|---|---|------------------|------------------|------------------|
| <b>Preparación de muestra** (ver nota)</b>              |   |                  |                  |                  |
| EP  | Extracción proteica   | 10.47            | 14.48            | 15.35            |
| PP  | Precipitación proteica  | 11.34            | 15.88            | 16.63            |
| CP  | Cuantificación proteica (BCA, Protein 660) (precio 10 muestras) | 12.95            | 18.13            | 18.99            |
| DS  | Digestión en solución (tripsina)                                | 5.82             | 12.21            | 12.79            |
| DG  | Digestión en gel (tripsina) incluye corte de banda y desalación | 10.49            | 22.02            | 23.07            |
| ISD-SDC   | Extracción y digestión en solución                              | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| STRAP   | Extracción y digestión STRAP                                    | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| FASP  | Digestión FASP  | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| DESALT  | Desalación y concentración por fase reversa o fase mixta en tip | 1.60             | 15.14            | 17.53            |
| UF  | Desalación y concentración por ultrafiltración                  | 9.33             | 19.59            | 20.53            |
| PTM-1   | Enriquecimiento de fosfopéptidos con TiO <sub>2</sub>           | 25               | 34.5             | 55.3             |
| PTM-2   | Enriquecimiento con IMAC  | 25               | 34.5             | 55.3             |
| TURBO   | Suplemento Dnasa/RNasa  | 1.14             | 2.67             | 24.07            |
| Lys-C   | Suplemento lysC   | 2.67             | 2.67             | 24.07            |
|   | <b>** Las digestiones solo incluyen tripsina.</b>               |                  |                  |                  |
| <b>Análisis de proteínas por LC-MS/MS** (ver notas)</b> |   |                  |                  |                  |
| LCMS-1  | LC-MS/MS análisis <=30 min gradient                             | 54.17            | 67.40            | 80.63            |
| LCMS-2  | LC-MS/MS análisis >=60 gradient                                 | 75.83            | 94.36            | 112.88           |
| LCMS-3  | LC-MS/MS análisis >=90 min gradient                             | 79.44            | 98.85            | 118.25           |

| Preparación de muestra + Análisis de proteínas por LC-MS/MS** (ver notas)                                       |   |                  |                  |                  |
|---|---|------------------|------------------|------------------|
| LCMS1-S   | LC-MS/MS + gradiente <=30 min (digestión en solución)                 | 54.17            | 94.75            | 110.96           |
| LCMS1-G   | LC-MS/MS+ gradiente <=30 min (digestión en gel)                       | 58.83            | 104.56           | 121.23           |
| LCMS1-GMC   | LC-MS/MS+ gradiente <=30 min (digestión en gel muestra compleja)      | 66.25            | 111.98           | 128.65           |
| LCMS1-SDC   | LC-MS/MS+ gradiente <=30 min (extracción SDC y digestión en solución) | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| LCMS1-STRAP   | LC-MS/MS+ gradiente <=30 min (extracción SDS y digestión STRAP)       | 69.43            | 121.41           | 137.21           |
|   |   |                  |                  |                  |
| LCMS2-S   | LC-MS/MS+ gradiente <=60 min (digestión en solución)                  | 75.83            | 121.71           | 143.21           |
| LCMS2-G   | LC-MS/MS+ gradiente <=60 min (digestión en gel)                       | 80.49            | 131.52           | 153.48           |
| LCMS2-GMC   | LC-MS/MS+ gradiente <=60 min (digestión en gel muestra compleja)      | 87.91            | 138.94           | 160.90           |
| LCMS2-SDC   | LC-MS/MS+ gradiente <=60 min (extracción SDC y digestión en solución) | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| LCMS2-STRAP   | LC-MS/MS+ gradiente <=60 min (extracción SDS y digestión STRAP)       | 91.10            | 148.37           | 169.46           |
|   |   |                  |                  |                  |
| LCMS3-2S  | LC-MS/MS+ gradiente >60 min (digestión en solución)                   | 79.44            | 126.20           | 148.58           |
| LCMS3-2G  | LC-MS/MS+ gradiente >60 min (digestión en gel)                        | 84.10            | 136.01           | 158.86           |
| LCMS3-GMC   | LC-MS/MS+ gradiente >60 min (digestión en gel muestra compleja)       | 91.52            | 143.43           | 166.28           |
| LCMS3-SDC   | LC-MS/MS+ gradiente >60 min (extracción SDC y digestión en solución)  | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> | <b>consultar</b> |
| LCMS3-STRAP   | LC-MS/MS+ gradiente >60 min (extracción SDS y digestión STRAP)        | 94.71            | 152.86           | 174.84           |
|   |   |                  |                  |                  |
| A-DATOS   | Análisis de datos (€/hora)  | 30.00            | 60.00            | 105.00           |
| <b>**Para 10 o más muestras solicitar presupuesto.<br/>La digestión con LysC no está incluida en el precio.</b> |   |                  |                  |                  |

| Electroforesis  |   |           |           |           |
|---|---|-----------|-----------|-----------|
| IEF-1   | Isoelectroenfoque (tira de 7 cm), pH habitual***      | 24.8      | 33        | 52        |
| IEF-2   | Isoelectroenfoque (tira de 13 cm), pH habitual***     | 24.8      | 37        | 56        |
| IEF-3   | Isoelectroenfoque (tira de 18 o 24cm), pH habitual*** | 30        | 45        | 60        |
| PAGE-1  | SDS-PAGE (10x8 cm)                                    | 9.3       | 23        | 48.3      |
| PAGE-2  | SDS-PAGE (16x14 cm)                                   | 14.5      | 30        | 60        |
| PAGE-3  | SDS-PAGE (18,5x20 cm)                                 | 17.6      | 45        | 75        |
| PAGE-4  | SDS-PAGE (26x22 cm)                                   | 25.9      | 60        | 90        |
| EB-1  | IEF 7cm, pH habitual***+ SDS-PAGE (10x8 cm)           | 34.2      | 56        | 100.3     |
| EB-2  | IEF 13 cm, pH habitual***+ SDS-PAGE (16x14 cm)        | 39.3      | 65        | 126       |
| EB-3  | IEF 18cm, pH habitual***+ SDS-PAGE (18,5x20 cm)       | 47.6      | 73        | 113.1     |
| EB-4  | IEF 24cm, pH habitual***+ SDS-PAGE (26x22 cm)         | 55.8      | 95        | 117.5     |
| OG  | Fraccionamiento OFFGEL (Agilent 3100)                 | consultar | consultar | consultar |
| <b>***Añadir 60 euros para otros rangos de pH diferentes a 3-10 o 4-7</b> |   |           |           |           |
| Tinción de geles  |   |           |           |           |
| TP1   | Tinción Plata (gel, 10x8 cm), imagen incluida         | 9.3       | 38        | 57        |
| TP2   | Tinción Plata (gel, 16x14 cm), imagen incluida        | 14.5      | 46.8      | 81.6      |
| TP3   | Tinción Plata (gel, 18,5x20 cm), imagen incluida      | 19.7      | 50        | 91        |
| TP4   | Tinción Plata (gel, 26x22 cm), imagen incluida        | 36.2      | 62.2      | 102.2     |
| TC1   | Tinción Coomassie (gel, 10x8 cm), imagen incluida     | 9.3       | 23        | 42        |
| TC2   | Tinción Coomassie (gel, 16x14 cm), imagen incluida    | 14.5      | 28.3      | 44.6      |
| TC3   | Tinción Coomassie (gel, 18,5x20 cm), imagen incluida  | 17.5      | 31.5      | 47.9      |
| TC4   | Tinción Coomassie (gel, 26x22 cm), imagen incluida    | 36.2      | 52.2      | 91.4      |
| AI-1  | Adquisición de Imagen (gel, 10x8 cm y 16x14 cm)       | 4.2       | 8         | 12        |

| Cromatografía líquida |                                |           |           |           |
|-----------------------|--------------------------------|-----------|-----------|-----------|
| LC                    | Fraccionamiento                | consultar | consultar | consultar |
| SPE                   | Fraccionamiento por SPE        | consultar | consultar | consultar |
| Otros análisis        |                                |           |           |           |
| ED                    | Diseño Experimental/Consulting | 30        | 60        | 105       |
| R                     | Informes/PRIDE SUBMISSION      | 30        | 60        | 105       |
| W                     | Horas de trabajo técnico       | 30        | 60        | 105       |

IVA no incluido

Enero 2022

**\*Para cualquier servicio contactar previamente con la Unidad de Proteómica.**

**\*Si se reciben muestras que no se ajusten a nuestros protocolos estándar, se aplicará un sobre coste que deberá ser asumido por el investigador responsable. El servicio no se hace responsable de los resultados derivados del análisis de dichas muestras.**



Fdo: Dra. Nieves Ibarrola de Andrés  
Responsable Servicio de Proteómica